

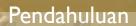


Rumusan Masalah

Bagaimana mengaplikasikan metode Asymmetry, Border Irregularity, Colour Variation (ABC) dan Gray-Level Co-Occurrence Matrix (GLCM) untuk mengekstraksi fitur citra melanoma.

Bagaimana mengaplikasikan metode Support Vector Machine (SVM) untuk mengklasifikasi melanoma dan bukan melanoma.

Bagaimana membangun prototipe perangkat lunak untuk mengklasifiksi melanoma dan bukan melanoma

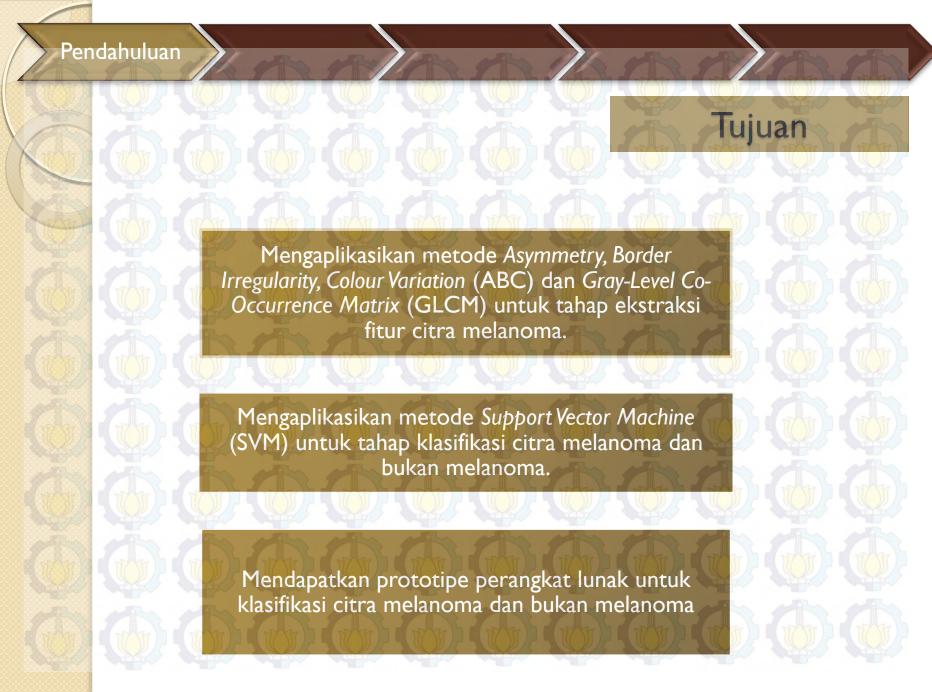


Batasan Masalah

Citra yang digunakan diperoleh dari grup riset Vision and Image Processing (VIP) Lab (vip.uwaterloo.ca)

Pembuatan prototipe perangkat lunak menggunakan Matlab.

Data citra masukan pada Tugas Akhir ini adalah citra melanoma maupun yang diduga melanoma dengan format .jpg dengan ukuran citra bebas.







Pemrosesan Citra

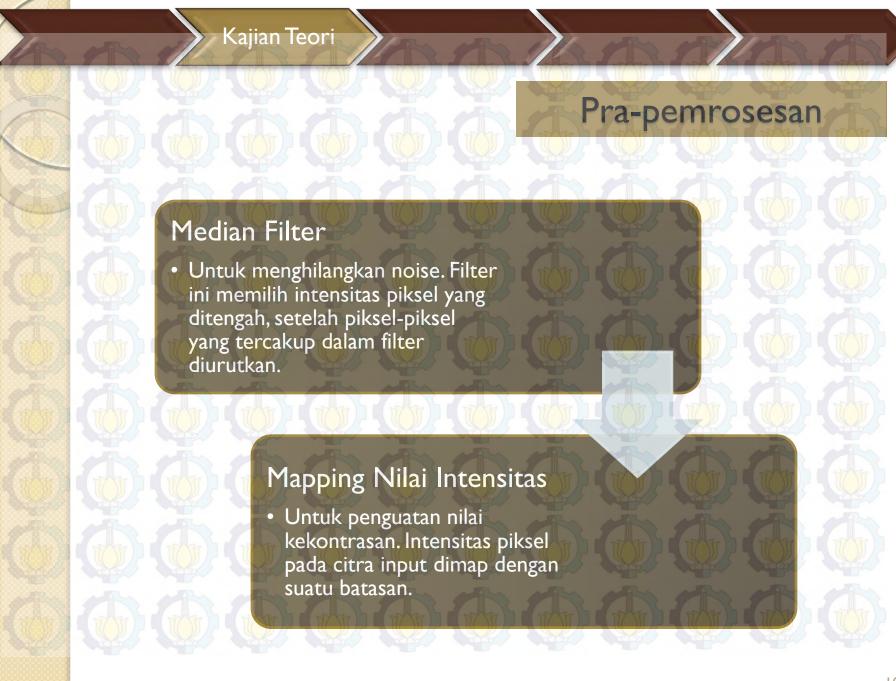
Pemrosesan citra adalah usaha untuk melakukan transformasi suatu citra atau gambar menjadi citra lain dengan menggunakan teknik tertentu. Tahapan-tahapan pemrosesan citra pada tugas akhir ini meliputi:

Prapemrosesan

Segmentasi

Ekstraksi fitur

Klasifikasi





ASYMMETRY

Asymmetry Index (AI)

$$AI = \frac{1}{2} \sum_{k=1}^{2} \frac{\Delta A_k}{A_L}$$

Dimana k mengidentifikasikan sumbu utama, ΔA_k berupa area non-overlap saat citra luka dilipat dan A_L adalah area luka.

Lenghtning Index

$$\mathring{A} = \frac{\lambda'}{\lambda''}$$

 $\lambda' = terhadap sumbu mayor$

 λ'' = terhadap sumbu minor

BORDER IRREGULARITY

Compactness Index

$$CI = \frac{P_L^2}{4\pi A_L}$$

CI = indeks kepadatan

 P_L = keliling luka

Fractal Dimension

$$N(r) \propto r^{-fd}$$

N(r) = sebuah piksel yang berisi potongan pembatas

r = ukuran piksel

BORDER IRREGULARITY

Edge Absurptness

$$C_r = \frac{\frac{1}{P_L} \sum_{p \in C} (d_2, (p, G_L) - m_d)^2}{m_d}$$

Pigmentation Transition

$$lum(i,j) = \frac{1}{3}[r(i,j) + g(i,j) + b(i,j)]$$

COLOR VARIATION

Color Homogeneity

Correlation between Photometry and Geometry

Distribusi warna pada luka dievaluasi melalui korelasi antara photometry dan geometry. Photometry adalah metode analisa yang membahas tentang pengukuran cahaya.

$$C_{pg} = \frac{1}{A_L} \sum_{P \in L} \frac{(lum(p) - m_1) \cdot (d_2(p, G_L) - m_d)}{v_1 \cdot v_d}$$

 m_d = mean, v_d = variance, d_2 = jarak antara titik-titik batas dengan titik pusat luka, G_L = titik pusat luka

Ekstraksi Fitur GLCM

Entropi

Entropy = $\sum_{i=0}^{N-1} \sum_{j=0}^{N-1} p(i,j) \log(p(i,j))$

dengan $P_{(i,j)}$ = Piksel baris ke -I dan kolom ke -j

Energi

Energy = $\sum_{i=0}^{N-1} \sum_{j=0}^{N-1} p(i,j)^2$

dengan $P_{(i,j)}$ = Piksel baris ke -i dan kolom ke-j.

Kontras

Contrast = $\sum_{i=0}^{N-1} \sum_{j=0}^{N-1} |i-j|^2 p(i,j)$

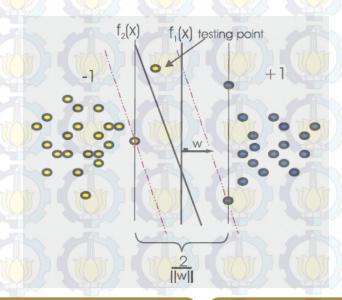
dengan $P_{(i,j)}$ = Piksel baris ke -I dan kolom ke -j.

Homogenitas

homogenitas= $\sum_{i=0}^{N-1} \sum_{j=0}^{N-1} \frac{p(i,j)}{1+|i-j|}$

dengan $P_{(i,j)}$ = Piksel baris ke -I dan kolom ke -j

Kajian Teori



Klasifikasi SVM

Support Vector Machine (SVM) merupakan sebuah classifier linier dengan feature set yang telah ditentukan sebelumnya. Metode SVM akan mencari sebuah hyperplane linier dengan margin terbesar untuk memisahkan kelas yang ada.

Margin terbesar, yang kemudian disebut sebagai Maximum Marginal Hyperplane (MMH) tersebut akan memberikan jarak terbesar antar kelas. Jarak antara hyperplane dengan sebuah sisi dari margin tersebut sama dengan jarak antara hyperplane dengan margin pada sisi lainya.

Klasifikasi SVM

"KERNEL TRICK"

Kernel Polynomial:

$$K(x, x_i) = ((x^T. x_{i,}) + 1)^n$$

Kernel RBF:

$$K(x_i, x_j) = exp\left(\frac{\|x_i - x_j^T\|^2}{2\sigma^2}\right)$$

Kernel Linear:

$$K(\mathbf{x}_i, \mathbf{x}_j) = \mathbf{x}^T . \mathbf{x}_i$$

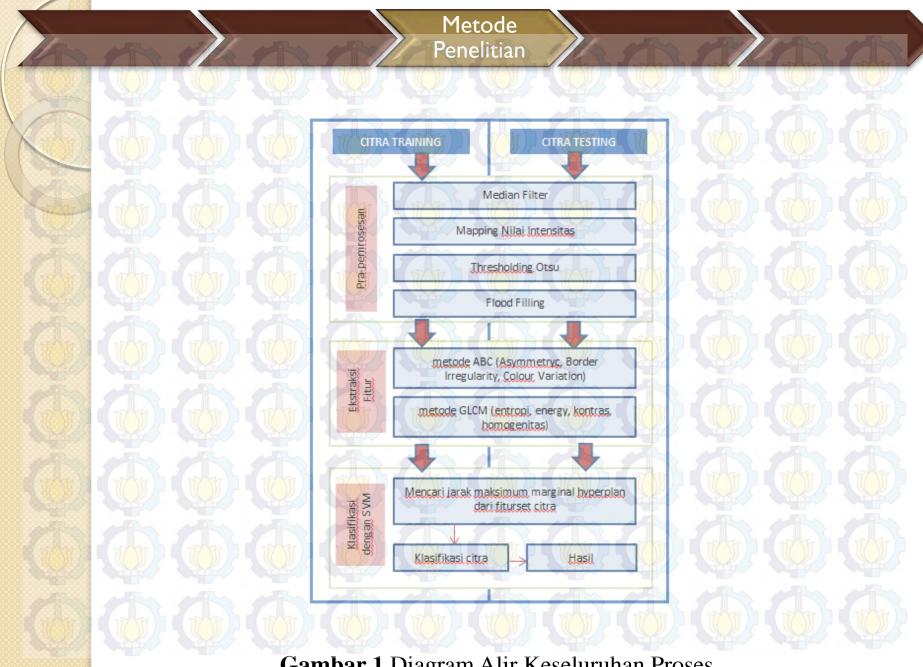
dengan:

$$K = \text{kernel}$$

$$x_i$$
 = data inputan yang akan di *training*

$$x^{T}$$
 = data inputan yang telah di transpose

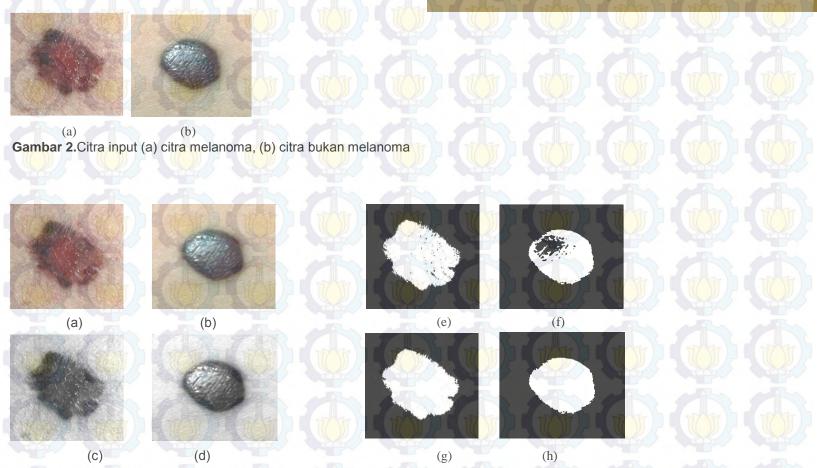
$$\sigma$$
 = parameter bebas



Gambar 1 Diagram Alir Keseluruhan Proses.



Pengujian Tahap Pra-pemrosesan



Gambar 3. (a) Median filtering citra melanoma, (b) median filtering citra bukan melanoma, (c) mapping nilai intensitas citra melanoma, (d) mapping nilai intensitas citra bukan melanoma, (e) segmentasi citra melanoma, (f) segmentasi citra bukan melanoma, (g) flood filling citra melanoma, (h) flood filling citra bukan melanoma

Pengujian dan Pembahasan

Pengujian Tahap Ekstraksi Fitur

Ekstraksi fitur dengan citra input pada Gambar 2 dapat dilihat pada Tabel 2 berikut: **Tabel 2.** Hasil Proses Ekstraksi Fitur dengan ABC dan GLCM

Ekstra	ıksi Fitur	Melanoma	Citra Bukan Melanoma
9 9	Asymmetry	0.3016	0.3968
ABC	Border Irregularity	0.1515	0.1764
	Colour	0.1334	0.2147
GLCM	Entropi	3.6171	3.4156
	Energi	0.0005	0.0008
	Kontras	78.6318	110.1517
	Homogenitas	0.3348	0.3416

Pengujian dan Pembahasan

Pengujian Klasifikasi SVM

Proses Training

Pengujian sistem menggunakan 80 data melanoma dan 70 data bukan melanoma. Data dibagi menjadi data pelatihan dan data uji. Data pelatihan dibagi ke dalam 3 kelompok data, yakni :

- Data pertama yang terdiri dari 64 citra melanoma dan 56 citra bukan melanoma
- Data kedua yang terdiri dari 56 citra melanoma dan 49 citra bukan melanoma
- Data ketiga yang terdiri dari 48 citra melanoma dan 42 citra bukan melanoma

Pengujian Klasifikasi SVM

Proses Testing

- Pengujian sistem menggunakan data uji yang merupakan sisa dari jumlah keseluruhan data yang tidak dipakai untuk training
- Pengujian juga dilakukan pada 3 kernel berbeda yaitu kernel polynomial, kernel gaussian/rbf dan kernel linear.

Untuk melakukan penghitungan tingkat akurasi sistem, tugas akhir ini menggunakan persamaan berikut

 $= \frac{\text{jumlah citra melanoma benar+jumlah citra bukan melanoma benar}}{\text{jumlah citra uji}} x 100$

Pengujian dan Pembahasan

Pengujian Klasifikasi SVM

Tabel 3 Akurasi dari Kernel Polynimial.

Data Latih	Akurasi	and with	omputasi tik)	
		Training	Testing	
	90%	71.67 detik	0.513 detik	
2	88.88%	62.02 detik	0.520 detik	
3	73.33%	52.73 detik	0.516 detik	

Pengujian Klasifikasi SVM

Tabel 4 Akurasi dari tiap kernel menggunakan data latih I

Kernel	Akurasi	Waktu Komputasi (detik)	
		Training	Testing
Polynomial	90%	71.67 detik	0.513 detik
Linear	80%	69.69 detik	0.512 detik
Rbf	73.33%	67.55 detik	0.528 detik

- Tugas Akhir ini telah berhasil melakukan klasifikasi citra melanoma dan bukan melanoma dengan menggunakan metode Support Vector Machine sebagai metode klasifikasi dengan urutan proses pra-pemrosesan, segmentasi citra, ekstraksi fitur dengan ABC dan GLCM, dan proses klasifikasi SVM.
- Tugas akhir ini telah berhasil membuat prototipe perangkat lunak untuk klasifikasi citra melanoma dan bukan melanoma.
- Metode Support Vector Machine pada tugas akhir ini dapat mengenali citra kanker kulit melanoma dengan tingkat akurasi terbaik sebesar 90%. Pengujian dengan hasil terbaik ini dilakukan pada data 64 citra melanoma dan 56 citra bukan melanoma dengan waktu komputasi untuk pelatihan terbaik adalah 71.67 detik.
- Pengujian pada beberapa kernel dihasilkan kesimpulan bahwa kernel yang memberikan hasil paling baik adalah kernel polynomial dengan akurasi 90% pada data latih 1.

Daftar Pustaka

- [1] Immagulate, I., Vijaya, M.S. 2015. "Categorization of Non-Melanoma Skin Lesion Diseases Using Support Vector Machine and Its Variants". International Journal of Medical Imaging 3(2): 34-40.
- [2] Jaleel, J.A., Salim, S., Aswin, R.B. 2013. "Computer Aided Detection of Skin Cancer". International Conference on Circuits, Power and Computing Technologies.
- [3] Novianti, F.A., Purnami, S.W. 2012. "Analisis Diagnosis Pasien Kanker Payudara Menggunakan Regresi Logistik dan Support Vector Machine (SVM) Berdasarkan Hasil Mamografi". JURNAL SAINS DAN SENI ITS Vol. 1, No. 1, ISSN: 2301-928X
- [4] Listia, R., Harjoko, A. 2014. "Klasifikasi Massa pada Citra Mammogram Berdasarkan Gray Level Cooccurence Matrix (GLCM)". IJCCS, Vol. 8, No. 1, pp. 59~68
- [5] Herdha. Tyara (2015). "Klasifikasi Kecatatan Peluru dengan Menggunakan Metode Support Vector Machine (SVM)" Tugas Akhir Jurusan Matematika ITS.
- [6] M. Rinaldi (2004). "Pengolahan Citra Digital dengan Pendekatan Algoritmik" Teknik Informatika ITB. Bandung.
- [7] Gonzales, R.C. dan Woods, Richard E. (2010). "Digital Image Processing". New Jersey. Prentice Hall.
- [8] Barhoumi W, Zagrouba E. 2002. "A PRELIMARY APPROACH FOR THE AUTOMATED RECOGNITION OF MALIGNANT MELANOMA"
- [9] Immagulate I., Vijaya M. S. 2015. "Categorization of Non-Melanoma Skin Lesion Diseases Using Support Vector Machine and Its Variants". International Journal of Medical Imaging.
- [10] Santosa, Budi. (2007). "Data Mining, Teknik Pemanfaatan Data untuk Keperluan Bisnis". Yogyakarta. Graha Ilmu.

